

# 第十届 中国蛋白质组学大会

一轮通知



**2018.11.15-17**

## 会务组

国家蛋白质科学中心·北京

地址：北京市昌平区生命园路38号 邮编：102206

电话：010-61777004 (学术) 010-61777010 (招商) 010-66037515 (会务)

邮箱：cnhupo10@163.com

为积极促进蛋白质组学的研究与发展，增进国际间合作交流，由中国生物化学与分子生物学会蛋白质组学专业委员会（CNHUPO）主办，军事科学院军事医学研究院生命组学研究所、暨南大学生命科学技术学院、国家蛋白质科学中心·北京、蛋白质组学国家重点实验室、北京蛋白质组研究中心共同承办的第十届中国蛋白质组学大会定于 2018 年 11 月 15 日 -17 日在广州市召开。

大会组委会热忱期待您的参与，相聚羊城，共襄千人盛会！

## 大会安排

本届会议以“凤凰涅槃——蛋白质组学的新时代”为主题，将承袭前九届会议传统，广邀国内外蛋白质组学及相关领域的知名专家、学者作大会报告或专题报告，向与会同仁传递领域前沿技术和科研成果，促进学术交流、产业化合作，共同推动中国蛋白质组学在生物医学、农业和制药等领域的发展。会议设有大会报告、分会（专题）报告和壁报交流三种形式，会议规模 1000 人左右。大会同期将举办“蛋白质组学新技术培训”（11 月 15 日）、CNHUPO 青年学者研讨会、以及与生物化学与分子生物学、蛋白质组学和转化医学等研究领域相关的仪器、设备、试剂和新技术的展览、展示会。

## 大会议题



## 大会语言

中文 / 英文

## 会议组织

### ■ 组织单位

主办单位：中国生物化学与分子生物学会蛋白质组学专业委员会（CNHUPO）

承办单位：军事科学院军事医学研究院生命组学研究所      暨南大学生命科学技术学院  
国家蛋白质科学中心·北京      蛋白质组学国家重点实验室  
北京蛋白质组研究中心

共同主席：秦 钧    何庆瑜

### ■ 组织委员会

主 席：秦 钧    何庆瑜

委 员：陈国强    陈润生    陈香美    丁建平    傅道田    何大澄    何庆瑜    李 明    刘斯奇    刘志红  
钱小红    饶子和    沈 琳    魏于全    杨 晓    杨晓明    杨秀荣    詹启敏    张普民    张先恩  
张玉奎    赵英明    江桂斌    徐 平    杨 靖

秘 书 长：甄 蓓

### ■ 秘书处

联 系 人：唐刘君 王 琰（国家蛋白质科学中心·北京）      孙雪松（暨南大学生命科学技术学院）

电 话：010-61777004（学术）      010-61777010（招商）

传 真：010-61777050

E-mail: CNHUPO10@163.com

## 征文范围及要求（参照模版）

投稿论文收录入会议论文集，大会将组织优秀论文评选。

凡未在国内外公开刊物发表过的研究成果，均可投稿，具体要求如下：

**征文范围：**有关蛋白质组学及相关领域近年来研究的学术成果，以英文论文摘要形式投稿。

**稿件要求：**摘要请按正式发表论文要求撰写，300字以内，使用Word软件撰写。文责自负（参照模版）。

**字体要求：**标题—Times New Roman 四号加粗

作者—Times New Roman 五号居中，拟作报告者请在其姓名下方划一横线

注：大会报告幻灯片一律要求英文准备

单位、地址、邮编、E-mail—Times New Roman 小五号居中

摘要—Times New Roman 五号

参考文献—Times New Roman 五号

**投稿方式：**请直接登陆大会网站完成投稿（投稿系统将尽快开通），如有问题，请及时联系大会秘书处。

**截止日期：**论文摘要投稿截止日期为 2018 年 8 月 31 日

## 会议注册

**优惠注册：2018年8月31日前：**1300元（人民币）/位（在读学生：900元/位）

**普通注册：2018年8月31日后：**1500元（人民币）/位（在读学生：1100元/位）

**现场注册：2018年11月14日**（参加培训的人员报到时间）、15日

**技术培训费（与注册费一并交纳）：**200元（人民币）/位

现场注册时请携带本人身份证，学生代表需携带学生证。已交费代表请带好汇款凭证，以备核对。正式代表和学生代表，可以参加会议组织的所有活动。注册费包括会务费、资料费。

## 会议地址和住宿宾馆

**会议地址：**白云国际会议中心，中国·广东省·广州·白云区白云大道南1039-1045号（白云山风景区、近广州体育馆）

**住宿安排：**广州（具体地点与价格后续通知）

由于参会人员较多，大会组委会不安排车辆接送。请代表自行乘地铁抵达报到地点，望参会代表谅解，交通指南如下：

### 白云国际机场 ↔ 会议中心

A. 乘地铁3号线北延段，在嘉禾望岗站换乘2号线，到白云文化广场站（C口出）下车，乘车时间40分钟

B. 乘的士走机场高速约35分钟，费用约RMB80

### 广州南站 ↔ 会议中心

**推荐路线：**

乘地铁2号线到白云文化广场站（C口出）下车，乘车时间约50分钟

### 广州站 ↔ 会议中心

A. 乘地铁2号线到白云文化广场站（C口出）下车，乘车时间约25分钟

B. 乘的士约20分钟，费用约RMB25





## 学术报告及壁报交流

大会和分会报告及壁报交流的参会代表，请在注册当日（2018年11月14、15日）将报告材料或壁报资料（国际标准大小1.0m×1.2m）交至大会学术组，报告材料须为Powerpoint文件，一律要求英文准备，存储于移动硬盘、USB闪盘中，大会提供笔记本电脑和幻灯放映设备，不接受个人电脑接入。如有特殊需求，请提前与大会学术组联系。

## 退费说明

已交费的参会代表因个人原因不能参会或其他原因需要退款，请提前与会务组联系。退费原则：2018年10月1日前退还所交款项的80%，10月1日~30日退还所交款项的50%，11月1日及以后恕不退款。

## 联系方式

### ■ 会务组

电 话：王 琰 010-61777004（学术）  
董 薇 010-61777010（招商）  
董 婷 010-66037515（会务）

传 真：010-61777050

E-mail: cnhupo10@163.com

地 址：北京昌平区科学园路38号国家蛋白质科学中心·北京

邮 编：102206

\* 请注明：“蛋白质组学大会”

### ■ 注册费汇至

帐 户：北京蛋白质组研究中心

开 户 行：工商银行北京市永定路支行

帐 号：0200004909200041055

\* 务必注明：蛋白质组学大会 \*（汇款前请先打电话联系，汇款后将汇款凭据传真至我处，以确保汇款安全到帐）

## 附件

附件：论文摘要模板。

第十届中国蛋白质组学大会秘书处  
二〇一七年十二月

附件

## Identified the nonspecific binding proteins in depletion of Albumin and IgG from Human plasma

Wang Yundan<sup>1</sup>, Ning Yunshan<sup>1,3</sup>, Jiang Yin<sup>2</sup>, Deng Xinyu<sup>2</sup>, Fang Qinmei<sup>2</sup>, Hong Yanhua<sup>3</sup>,  
Li Ming<sup>1,3</sup>

<sup>1</sup> College of Biotechnology, Southern Medical University, Guangzhou, P. R. China, 510515

<sup>2</sup> Beijing Institute of Radiation Medicine, Beijing, P. R. China, 100850

<sup>3</sup> Boang Antibody Company, Shanghai, P. R. China, 200233

[tommy604@fimmu.com](mailto:tommy604@fimmu.com)

Depletion of high abundant proteins in plasma samples was necessary for the further study of new biomarkers mining in HPPP. We used the high specific mouse mAb against human albumin and Protein G to remove Albumin and IgG respectively from human plasma in denatured condition and native condition. We observed the different capacity of depletion in the presence of chaos reagents, non-ionic detergent and high concentration of salts. In native condition, the elution proteins were separated by 2DE and 104 spots in the gel were excised and trypsin digested for tandem mass spectrum (MS/MS) analysis. The binding proteins including Albumin, IgG, Fibrinogen, Vitamin D binding protein, Alpha-1 antitrypsin, transferrin, Transthyretin, Proapolipoprotein, Keratin, Complement component 3. The remained spots are albumin and IgG fragments. In denatured condition, the capacity of depletion for albumin become lower but IgG not affected. The concentration of nonspecific binding proteins including the fragments of Albumin in elution sample was lower. The results may explain the relation between low non-specific binding and presence of albumin fragments in condensed plasma samples processed by MARC or MARS system using commercial buffer.

### Keywords:

High abundant protein / Depletion / 2-DE / MS / Nonspecific / Human plasma protein / Monoclonal antibody / Denature

### References

1. Huang, H. L., Stasyk T., Morandell, S., Mogg, M., *et al.*, *Electrophoresis* 2005, 26, 2843-2849
2. Anderson, N. L., Polanski M., Pieper, R., Gatlin, T., *et al.*, *Molecular & Cellular Proteomics* 2004 Apr;3(4):311-26.
3. Shen, Y. F., Kim, J. K., Strittmatter, E. F., Jacobs, J.M., *et al.*, *Proteomics* 2005, 5,4034-4045
4. Omenn, G. S., States D. J., Adamski M., Blackwell T. W., *et al.*, *Proteomics* 2005, 13, 3226-3245